

## Linking specimen records with genetic data from Symbiota portals to GenBank

### [Combinando información de los portales “Symbiota” (especímenes) y de “GenBank (genética)”]

Step 1: Pull up the occurrence record you would like to add genetic data to and click on the Linked Resources tab. Then, click on the green cross to reveal the table for adding Genetic Resources.

[Paso 1: Abra el record al cual desea añadir la data genética y presione en el tab para Unir Información “Linked Resources tab”. Luego presione sobre la cruz verde para que aparezca la tabla en la que podrá añadir la data Genética]

**University of Illinois Herbarium (ILL)**  
[Home](#) >> [Collection Management](#) >> [Public Display](#) >> [Editor](#) < << | 25 of 12735 | >> > \*

Occurrence Data   Determination History   Images   **Linked Resources**   Admin

---

**Duplicate Specimens** +

**No Linked Duplicate Records**

---

**Genetic Resources** +

**Add New Resource**

**Name:**

**Identifier:**

**Locus:**

**URL:**

**Notes:**

**No Genetic Resources linked to this record**

Step 2: Complete the necessary fields as shown below. Notes can remain empty, but Name (= GenBank), Identifier (= GenBank accession number), Locus (= standardized name of gene), and URL (= link to the GenBank record) should be filled out. Add additional gene sequences by clicking on the pencil icons.

[Paso 2: Llene los campos necesarios como se muestra abajo. Debe llenar todos los campos siguientes: Nombre (= GenBank), Identificador (= numero de GenBank), Locus (= nombre standard para el gen), and URL (= link al record de GenBank). Añada secuencias adicionales de genes presionando el icono del lapiz.]

Some standardized names of commonly sequenced ribosomal genes: Name (= GenBank), Identifier (= GenBank accession number), Locus (= standardized name of gene), and URL (= link to the GenBank record) should be filled out. Add additional gene sequences by clicking on the pencil icons.

[Utilizando la terminología estandarizada para denominar los genes ribosomales complete los campos siguientes: Nombre (= GenBank), Identificador (=número de GenBank), Locus (= nombre estandarizado para el gen), y URL (= link al record de GenBank). Añada secuencias genéticas adicionales presionando el icono del lápiz.]

ITS = 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

[ITS = 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence]

LSU = 28S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

[LSU = 28S sub-unidad genetica ribosomal grande de ARN, secuencia parcial]

SSU = 18S small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

[SSU = 18S sub-unidad genetica ribosomal pequeña de ARN, secuencia parcial]

Occurrence Data
Determination History
Images
Linked Resources
Admin

**Duplicate Specimens** +

**No Linked Duplicate Records**

**Genetic Resources** +

**Add New Resource**


**Name:**

**Identifier:**


**Locus:**

**URL:**


**Notes:**

**GenBank** 

**Identifier:** DQ499466  
**Locus:** ITS: 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence  
**URL:** <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/DQ499466>  
**Notes:**

**GenBank** 

**Identifier:** NR\_121207  
**Locus:** RefSeq: ITS Region  
**URL:** [http://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/NR\\_121207](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/NR_121207)  
**Notes:**

**GenBank** 

**Identifier:** KC608614  
**Locus:** RPB2 gene, partial cds  
**URL:** <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/nuccore/KC608614>  
**Notes:**

## Linking specimen records with genetic data from GenBank to Symbiota portals

### [Combinando información de los portales “Symbiota” (especímenes) y de “GenBank (genética)”]

To create links to your portal, NCBI needs two XML files, an identity file and a resource file.  
 [Para crear ‘links’ a su portal, NCBI necesita dos archivos XML: un archivo de identidad y un archivo de recursos.]

**Step 1.** Create your Identity File using the example below from the MyCoPortal and email to: [linkout@ncbi.nlm.nih.gov](mailto:linkout@ncbi.nlm.nih.gov)

[Paso 1. Cree su Archivo de Identidad utilizando el ejemplo en MyCoPortal (abajo), y envíelo por email a [linkout@ncbi.nlm.nih.gov](mailto:linkout@ncbi.nlm.nih.gov)]

[Note to MyCoPortal users: Please email [help@mycoportal.org](mailto:help@mycoportal.org) and we will provide you with the mycoportal Providerid number]

[Nota para los usuarios de MyCoPortal: Establezca contacto con [help@mycoportal.org](mailto:help@mycoportal.org) y allí le daremos el numero Providerid de MyCoPortal]

The identity file contains the information needed to list a provider in LinkOut. This file must be named **providerinfo.xml**; the file name is case sensitive. This file should be composed in a text editor, such as NotePad, not in a word processing program.

[El Archivo de Identidad contiene la información necesaria para **list a provider in LinkOut???**. Este archivo debe denominarse **providerinfo.xml**. El nombre del archivo distingue entre mayúsculas y minúsculas. Este archivo debe ejecutarse con un editor de textos como NotePad, y no mediante un programa de procesamiento de datos.]

The NCBI LinkOut staff will then assign you a unique ProviderId and provide you with instructions for uploading your Resource File via ftp.

[El personal de NCBI le asignara un Identificador Provider “ProviderId “ y le dara las instrucciones para subir su Archivo de Recursos “Resource File” mediante ftp.]

ProviderId Example File:

[Ejemplos de archivos ProviderId:]

```
<?xml version="1.0"?>
<!DOCTYPE Provider PUBLIC "-//NLM//DTD LinkOut 1.0//EN"
"http://www.ncbi.nlm.nih.gov/projects/linkout/doc/LinkOut.dtd">
<Provider>
  <ProviderId>9439</ProviderId>
  <Name>Mycology Collections Portal</Name>
```

```

<NameAbbr>MyCoPortal</NameAbbr>
<SubjectType>herbarium/museum collections</SubjectType>
<Url>http://www.mycportal.org</Url>
<Brief> On-line database of fungal specimen data</Brief>
</Provider>

```

**Step 2.** Create your Resource File using the example below. You can create a Resource File as xml, csv, or simple text. Instructions below are given for creating your Resource File as a csv file. For other methods, please refer to: [http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK3812/-ft.File\\_Preparation\\_Identity\\_File](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK3812/-ft.File_Preparation_Identity_File)

[Paso 2. Cree su archivo de recursos utilizando el siguiente ejemplo. Puede crear un archivo de recursos "Resource File" como xml, csv o texto simple. Las instrucciones a continuación le ayudaran a crear su archivo de recursos como un archivo csv. Para otros métodos, consulte: [http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK3812/-ft.File\\_Preparacion\\_Archivo\\_Identidad](http://www.ncbi.nlm.nih.gov/books/NBK3812/-ft.File_Preparacion_Archivo_Identidad)]

Resource File example as a CSV file:

	A	B	C	D	E	F	G
1	ProviderId	Database	UID/Query	URL	IconURL	UrlName	SubjectType
2	####	nucleotide	AB080793 [accn]	<a href="http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=2160623">http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=2160623</a>			herbarium/museum collections
3	####	nucleotide	AB080794 [accn]	<a href="http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=2162722">http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=2162722</a>			herbarium/museum collections
4	####	nucleotide	AB080795 [accn]	<a href="http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=2160683">http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=2160683</a>			herbarium/museum collections
5	####	nucleotide	AB193390 [accn]	<a href="http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=1833176">http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=1833176</a>			herbarium/museum collections
6	####	nucleotide	AF042620 [accn]	<a href="http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=1932644">http://mycoportal.org/portal/collections/individual/index.php?occid=1932644</a>			herbarium/museum collections

ProviderId = your ProviderId assigned to you by NCBI LinkOut staff

[Identificador Provider "ProviderId" = su "ProviderId" asignado por el personal de NCBI]

Database = nucleotide

[Base de datos = nucleótido]

UID/Query = the GenBank accession number for the gene sequence you want to link your occurrence record with.

[UID / Query = el número de acceso de GenBank para la secuencia génica que desea vincular a su registro de ocurrencia "occurrence record"]

URL = the url to that specific occurrence record in your portal (Note: each occurrence record has a unique occid)

[URL = la url a ese registro de ocurrencia específico en su portal (Nota: cada registro de ocurrencia "occurrence record" tiene un occid único)]

Icon URL = [required, but leave blank]

[Icono URL = [campo requerido, pero dejar en blanco]

UrlName = [required, but leave blank]

[UrlName = requerido, pero dejar en blanco]

SubjectType = herbarium/museum collections  
[SubjectType = colecciones de herbarios / museos]

**Step 3:** Using the instructions provided by the NCBI LinkOut staff, ftp your ProviderId and Resource File to NCBI.

[Paso 3: Utilizando las instrucciones proporcionadas por el personal de NCBI LinkOut, ftp su ProviderId y el archivo de recursos a NCBI.]

**Step 4:** Wait 48 hours and confirm GenBank sequences have been linked to your portal's occurrence records through NCBI's LinkOut feature.

[Paso 4: Espere 48 horas y confirme que las secuencias de GenBank se han vinculado a los registros de ocurrencia de su portal a través de la función LinkOut de NCBI.]

### Provider Statistics

#### [Estadísticas de Proveedores]

LinkOut collects statistics on the number of clicks on each providers's links in the LinkOut display.

[LinkOut recopila estadísticas acerca del número de clics en los enlaces de cada proveedor en la pantalla LinkOut.]

Statistics can be emailed to the LinkOut contact monthly. If you would like to receive statistics, please notify the LinkOut Team at [linkout@ncbi.nlm.nih.gov](mailto:linkout@ncbi.nlm.nih.gov)

[Las estadísticas pueden ser enviadas mensualmente por correo electrónico al contacto LinkOut. Si desea recibir estas estadísticas, por favor notifique al Grupo LinkOut en [linkout@ncbi.nlm.nih.gov](mailto:linkout@ncbi.nlm.nih.gov)]

Statistics send via email include the yearly and monthly totals for clicks on a provider's links (a CSV file with the same information is provided as an attachment as well).

[Las estadísticas que se envían por correo electrónico incluyen los totales anuales y mensuales de los clics en los enlaces de cada proveedor (ver el archivo CSV adjunto, con la misma información)]

Statistics may change for the first 2 weeks that they are available. After 2 weeks, statistics will be stable.

[Las estadísticas pueden cambiar durante las primeras 2 semanas que estén disponibles. Después de 2 semanas, las estadísticas se estabilizarán.]

A sample statistics report is shown below.

[A continuación se muestra un informe estadístico a manera de ejemplo]

```
The following is the usage statistics for your LinkOut links:
(Hits = number of times users clicked your links)

Please note that statistics for the most recent month may change in the
next report.

Database: Gene

Total: 629

Month                Number of Hits
-----                -
8/2005                126
7/2005                195
6/2005                142
5/2005                155
4/2005                11
```

### Limiting a Search to Records with Links to a Specific Resource

[Delimitar la búsqueda hacia Registros que posean vínculos con un Recurso Específico]

loprovmycoportal[filter] to get all linked records for your portal

[loprovmycoportal [filtro] para obtener todos los registros vinculados a su portal]

or, to search for linked records for a specific collection:

loprovmycoportal[filter] AND MICH

[O, para buscar registros vinculados con una colección específica:

loprovmycoportal [filtro] Y MICH]